

**Coordonnées du demandeur**

Nom :		Prénom :	
e-mail :		Téléphone :	
Affiliation :		Statut :	Permanent : <input type="checkbox"/> oui <input type="checkbox"/> non (*)

(*) Nom, prénom et email du responsable du demandeur (par ex. dir. de thèse) :

Nombre d'échantillons à analyser de composition ou structures supposées différentes :

Identification des échantillons : elle devra être inscrite de façon LISIBLE et INDELEBILE sur les flacons ou les boîtes renfermant le ou les échantillon(s). Merci de n'utiliser que 4 caractères maximum pour cette identification hors nom propre et laboratoire ou équipe. Ces derniers leur seront ajoutés ainsi que la date pour générer le code d'identification PMD2X et assurer le suivi des analyses.

Informations sur l'échantillon : Composition chimique, solvant ou sel susceptibles d'être présents dans la structure :

*Si possible, merci d'envoyer tout fichier contenant des informations sur l'échantillon :
Dessin de la molécule, fichier CIF, etc.*

Remarques sur la manipulation, le stockage et la conservation des échantillons :	
Echantillons à conserver ou à détruire après les mesures :	<input type="checkbox"/> Oui <input type="checkbox"/> Non (*)

(*) Se référer à la charte utilisateur Chap.3 pour la conservation des échantillons :

Mesures ou analyses demandées (*)		
Paramètres de maille seuls <input type="checkbox"/>	Détermination d'un modèle structural (atomes sphériques) avec production d'un fichier CIF complet <input type="checkbox"/>	Enregistrement simple d'un fichier HKL (99.5% de complétude à 0.77 Angströms) <input type="checkbox"/>
Température de mesure (K) :	Détermination de la chiralité par analyse de la dispersion anormale (anticathode de Cu) <input type="checkbox"/>	Autres mesures souhaitées ou remarques :

(*) tarifs consultables sur notre page web : <https://crm2.univ-lorraine.fr/plateformes/pmd2x/>

Merci d'avoir compléter ce formulaire. Nous vous recontacterons rapidement pour établir la faisabilité de votre demande et le cas échéant établir un devis.